

Mejor Set: 7) González-Barrios et al. 2017. Ref. 01.

Espaciamiento directo-reverso: 75 bases

Directo: ATGCCCTNAATGGGAATGGG
Posición: 276-295 | Identidad: 42.00% | Puntaje: 8.40

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: ACCCGAACAACATGGATAGA
| | ~ | | | |
Directo: ATGCCCTNAATGGGAATGGG

Sonda: CDTTCCATGGDGCCAARGARRT
Posición: 333-354 | Identidad: 94.55% | Puntaje: 20.80

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: CDTTCCAYGGGGCCAAGGAGGT
| | | | | : | | . | | | | : | : |
Sonda: CDTTCCATGGDGCCAARGARRT

Reverso: RCTGGTGCACTTGCCAGTTG
Posición: 371-390 | Identidad: 98.00% | Puntaje: 19.60

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: ACTGGTGCACTTGCMAGTTG
: | | | | | | | | | : | | | |
Reverso: RCTGGTGCACTTGCCAGTTG

Secuencia Consenso Completa:

1

81

161

241

321

401

481

561

641

721

801

881

961

ATRTTTAAAGATGAGTCTTCTAACCGAGGTCGAAACGTACGTTCTTTCTATCATHCCDTCAGGCCCCCTCAAAGCCGAGA

T CGCACAGAGACTGGAAAGTGTCTTTGCAGGAAAGAACACAGATCTTGAGGCTCTYATGGAATGGCTAAAGACAAGACCA

ATCTTGTCACCYCTGACTAAGGGAATTTTAGGATTTGTGTTACGCTCACCGTGCCAGTGAGCGAGGACTGCAGCGTAG

ACGCTTTRTCCAAAATGCCCTAAATGGAAATGGGGACCCGAACAACATGGATAGAGCAGTTAAACTATACAAGAARCTCA

AAAGAGAAATAACDTTCCAYGGGGCCAAGGAGGTGTCACTAAGCTATTCAACTGGTGCACTTGCMAGTTGCATGGGCCTC

ATATACAACAGRATGGGRACAGTGACCACAGAAGCTGCTTTCGGTCTAGTTTGTGCCACTTGTGAACAGATTGCTGATTC

ACAGCATCGGTCTCACAGACAAATGGCTACTACCACAAATCCACTAATHAGGCATGAAAACAGAATGGTGCTGGCTAGCA

CTACGGCAAAGGCTATGGAACAGGTGGCTGGATCRAGTGAACAGGCAGCGGAGGCCATGGAGGTTGCTAATAARACTAGG

CAGATGGTACATGCAATGAGAACTATTGGRACATCCTAGCTCCAGTGCTGGTYTRAGAGATGACCTTCTTGAAAATTT

RCAGGCMTACCAGAAGCGRATGGGAGTGCAGATGCAGCGDTTCAARTGATCCTCTCGTCATTGCAGCAAACATCATTGGG

ATCTTGACCTGATATTGTGGATTACYGATCGTCTTTTTTTCAAATGCATTTATCGTCGCTTTAAATACGGTHTGAAAAG

AGGGCCTTCTACGGAAGGAGTGCCTGAGTCCATGAGGGAAGAATATCAACAGGAGCAGCAGAGTGCTGTGGATGTTGACG

ATGGTCATTTTGTCAACATAGAGCTAGARTAA